

المجال التعليمي رقم (01): التخصص الوظيفي للبروتينات**الوحدة التعليمية الأولى****٦٥ تركيب البروتين****الترجمة****النشاط ٤:**

المشكل العلمي: كيف يتم ترجمة الشفرة الوراثية إلى بروتين؟

الشفرة الوراثية:

إن اللغة النووية الممثلة بالمورثة (ADN) تكونها أربعة أنواع من النيكلويوتيدات حيث تحتوي كل نيوكلويوتيدة على إحدى القواعد الأزوتية الأربع (G ، C ، T ، A) ، ترتبط النيكلويوتيدات بعضها بترتيب مختلف وهذا يعتبر أساس تنوع المورثات عند الكائنات الحية .

تترجم هذه اللغة النووية إلى لغة بروتينية أساسها 20 حمض أميني مختلف و التي تشكل بارتباطاتها المختلفة (وفق ترتيب محدد تشرف عليه المورثة) البروتين .

١- عدد الاحتمالات :

الاحتمال الأول: كلمات نووية من حرف واحد ، و هذا غير منطقي حيث كلمات اللغة البروتينية فوق عدد اللغات النووية

(4¹ = 4 حمض أميني ، أقل من 20 حمض أميني) .

الاحتمال الثاني: يعطي 16 كلمة و هو عدد غير كاف لتغطية كلمات اللغة النووية ، أي قاعدتان ترمزان لحمض أميني واحد

(4² = 16 حمض أميني ، أقل من 20 حمض أميني)

الاحتمال الثالث: يعطي 64 كلمة أي ثلات قواعد متتالية ترمزان لحمض أميني واحد

(4³ = 64 حمض أميني ، أي أكثر من 20 حمض أميني)

الاحتمال الثالث هو الصحيح لأنه يعطي أكثر من 20 حمض أميني

٢- جدول الشفرات الوراثية: (لاحظ الوثيقة (1) ص 20)

توضح الوثيقة جدول الرامزات والأح�性 الأمينية التي تقابلها ، الفرق في عدد الكلمات بين اللغتين يعود إلى وجود مرادفات حيث يمكن أن يكون لكلمة الواحدة من اللغة البروتينية عدة مرادفات في اللغة النووية وأيضاً ليس لكل الكلمات في اللغة النووية معنى في اللغة البروتينية ، أي أن هناك رامزات بدون معنى (رامزات التوقف) .

النتيجة :

تتضمن الشفرة الوراثية الـ ARNm 64 ثلاثة (رامزة) ممكنة:

- 61 رامزة توافق ، غالباً عدة رامزات منها حمض أميني واحد ماعدا الرامزة (AUG) التي توافق وحدها حمض أميني واحد يدعى " **الميتيونين** " و تسمى برامزة البداية (الانطلاق) .
- ثلاث رامزات لا توافق أي حمض أميني تدعى **برامزات التوقف** تنهي عملية تصنيع البروتين .

3- فك رموز الشفرة الوراثية:

شرح كيفية فك رموز الشفرة الوراثية: تم اصطناع ARNm مكون من نوع واحد من النيوكلويوتيدات الريبية تحتوي على البوراسييل ، ووضع في أنبوب اختبار متعدد البوراسييل في وسط يحتوي على المكونات السيوتوبلازمية الضرورية لتركيب البروتين و خال من المعلومات الوراثية (الد ARN ، الد ADN) .

فتشكل متعدد بيبتيد يتكون من نوع واحد من الأحماض الأمينية هو: الفنيلalanine .

بالاعتماد على النتيجة المحصل عليها و على الطبيعة الثلاثية للشفرة فإن الثلاثية (UUU) تعبر عن الحمض الأميني فنيلalanine

وبتجارب مماثلة لهذه التجربة تمكن العلماء من فك جميع رموز الشفرة الوراثية و التعرف على معنى الرامزات الد 64 الممكنة ، وهكذا فإن جدول الشفرات الوراثية هو القاموس الذي تستعمله الخلية لترجمة الرسالة النووية إلى رسالة بروتينية .

الخلاصة

- الترجمة : هي توافق التعبير عن المعلومة الوراثية التي يحملها الد ARNm على متالية أحماض أمينية في الهيولى الخلوية .
- تنسخ المعلومة الوراثية بشفرة خاصة تدعى الشفرة الوراثية .
- إن وحدة الشفرة الوراثية هي ثلاثة من القواعد الآزوتية تدعى **الرامزة** تشفّر لحمض أميني معين في البروتين .
- تشفّر عادة بنفس الحمض الأميني عدة رامزات ماعدا الرامزات التالية:
- (UGA) و (UAG) التي لا تشفّر بأي حمض أميني و تمثل رامزات توقف القراءة .
- تشفّر للحمض الأميني الميتيونين (Met) رامزة واحدة فقط هي (AUG) و تدعى رامزة الانطلاق .
- تشفّر للحمض الأميني التريبتوفان (Trp) رامزة وحيدة فقط هي (UGG) .

تمرين: تبين الوثيقة التالية جزء من تتبع نيوكلويوتيدات المورثة التي تشرف على تركيب بروتين الجبنين عند الشاة و البقرة :

عند الشاة

عند البقرة

الوثيقة

- أ. حدد تتبع الوحدات البنائية لسلسلة الد ARNm و السلسلة البروتينية الموافقة لكل مورثة .
- ب. قارن بين سلسلتي الأحماض الأمينية المحصل عليها .
- ج. ماذا تستنتج من هذه المقارنة ؟ .

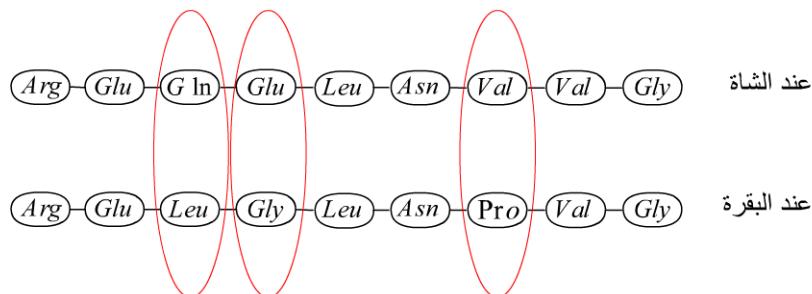
الحل:

أ. سلسلة ARNm :

سلسلة ARNm عند الشاة 

سلسلة ARNm عند البقرة 

السلسلة البروتينية:



ب. المقارنة بين سلسلتي الأحماض الأمينية المحصل عليها :

يوجد تماثل كبير في تركيب البروتين عند البقرة و الشاة باستثناء الأحماض الأمينية رقم (3) ، (4) ، (7)

- عند الشاة الحمض الأميني (3) هو (Gln) و عند البقرة هو (Leu)
- عند الشاة الحمض الأميني (4) هو (Glu) و عند البقرة هو (Gly)
- عند الشاة الحمض الأميني (7) هو (Val) و عند البقرة هو (Pro) .

ج. الاستنتاج:

نستنتج من المقارنة أن بروتين الجنين غير متماثل كلّياً عند أنواع مختلفة من الحيوانات الثديية .

عن موقع www.eddirasa.comالبريد الإلكتروني: info@eddirasa.com